

Table S1: Diversity of B2 *E. coli* isolates along the rural continuum

Site	Sample	N	Subgroup ^a	O type ^b	
Sébec (<i>n</i> =42)	Water (<i>n</i> =25)	3	I	O18	
		1	I	O83	
		1	I	O7	
		1	I	ONT ^c	
		1	X	ONT	
		1	UA ^d	O83	
		17	UA	ONT	
	Sediment (<i>n</i> =17)	7	IV	O2b	
		6	X	ONT	
		4	UA	ONT	
Selles (<i>n</i> =7)	Water (<i>n</i> =4)	1	II	ONT	
		1	UA	O6	
		1	UA	O83	
		1	UA	ONT	
	Sediment (<i>n</i> =3)	1	IX	O2b	
		1	X	ONT	
		1	UA	ONT	
Tourville (<i>n</i> =12)	Water (<i>n</i> =5)	1	I	O21	
		1	UA	O83	
		1	UA	O2b	
		2	UA	ONT	
	Sediment (<i>n</i> =7)	1	IV	O2b	
		3	VI	O22	
		1	VII	O75	
		2	UA	O2b	
Risle (<i>n</i> =31)	Water (<i>n</i> =18)	2^e	I	O25b	
		1	I	O18	
		1	I	ONT	
		1	II	O18	
		3	III	O6	
		1	IV	O83	
		2	VI	O4	
		1	IX	O1	
		1	UA	O81	
		2	UA	O75	
		3	UA	ONT	
		Sediment (<i>n</i> =13)	1	I	O6
			1	III	O6
	3		IV	O2b	
	1		VII	O75	
	3		IX	O1	
	1		IX	O18	
	3		UA	ONT	

^a Determined as in (Clermont et al., 2014); ^b Determined as in (Clermont et al., 2007); ^c ONT: O-non typable; ^d UA unassigned; ^e Typical human ExPEC clones are indicated in bold