

1 **Supplementary information**

2 **Table S1:** Relative abundance at the OTU level.

Phylum	Class	Group/Order	Family	Genus	OTU	%	
Acidobacteria	<i>Acidobacteriia</i>	<i>Acidobacteriales</i>	<i>Acidobacteriaceae</i>	<i>Acidobacterium</i>	<i>Acidobacterium sp.</i>	0.03	
	<i>Holophagae</i>	<i>Holophagales</i>	<i>Holophagaceae</i>	<i>Holophaga</i>	<i>Holophaga sp.</i>	0.03	
Actinobacteria	<i>Actinobacteria</i>	<i>Actinomycetales</i>	<i>Nocardiaceae</i>	<i>Rhodococcus</i>	<i>Rhodococcus erythropolis</i>	3.60	
			<i>Tsukamurellaceae</i>	<i>Tsukamurella</i>	<i>Tsukamurella sp.</i>	0.14	
<i>Chloroflexi</i>	<i>Thermomicrobia</i>	<i>Sphaerobacterales</i>	<i>Sphaerobacteraceae</i>	<i>Sphaerobacter</i>	<i>Sphaerobacter sp.</i>	0.72	
<i>Firmicutes</i>	<i>Bacilli</i>	<i>Bacillales</i>	<i>Staphylococcaceae</i>	<i>Staphylococcus</i>	<i>Staphylococcus aureus</i>	0.03	
<i>Planctomycetes</i>	<i>Planctomycetia</i>	<i>Planctomycetales</i>	<i>Planctomycetaceae</i>	<i>Rhodopirellula</i>	<i>Rhodopirellula sp.</i>	0.06	
			<i>Rhizobiaceae</i>	<i>Agrobacterium</i>	<i>Agrobacterium tumefaciens</i>	20.34	
<i>Proteobacteria</i>	<i>Alphaproteobacteria</i>	<i>Rhizobiales</i>		<i>Rhizobium</i>	<i>Rhizobium sp.</i>	7.46	
			<i>Hyphomicrobiaceae</i>	<i>Hyphomicrobium</i>	<i>Hyphomicrobium sp.</i>	16.95	
			<i>Phyllobacteriaceae</i>	<i>Mesorhizobium</i>	<i>Mesorhizobium sp.</i>	12.33	
			<i>Bradyrhizobiaceae</i>	<i>Bosea</i>	<i>Bosea sp.</i>	5.92	
				<i>Bradyrhizobium</i>	<i>Bradyrhizobium sp.</i>	0.03	
			<i>Hyphomicrobiaceae</i>	<i>Rhodomicrobium</i>	<i>Rhodomicrobium sp.</i>	0.03	
			<i>Caulobacterales</i>	<i>Caulobacteraceae</i>	<i>Brevundimonas</i>	<i>Brevundimonas sp.</i>	10.48
			<i>Sphingomonadales</i>	<i>Sphingomonadaceae</i>	<i>Sphingomonas</i>	<i>Sphingomonas sp.</i>	2.20
					<i>Sandaracinobacter</i>	<i>Sandaracinobacter sibiricus</i>	1.73
			<i>Alphaproteobacteria</i>	<i>Alphaproteobacteria</i>	<i>Rasbo</i>	<i>Rasbo sp.</i>	2.04
					<i>Ronia</i>	<i>Ronia tepidophila</i>	0.55
			<i>Rhodospirillales</i>	<i>Acetobacteraceae</i>	<i>Roseomonas</i>	<i>Roseomonas stagni</i>	1.51
						<i>Roseomonas lacus</i>	0.44
<i>Acidisphaera</i>	<i>Acidisphaera sp.</i>	0.03					
	<i>Gluconacetobacter</i>	<i>Gluconacetobacter sp.</i>	0.03				
<i>Betaproteobacteria</i>	<i>Burkholderiales</i>	<i>Burkholderiaceae</i>	<i>Limnobacter</i>	<i>Limnobacter thiooxidans</i>	0.69		
<i>Deltaproteobacteria</i>	<i>Myxococcales</i>	<i>Polyangiaceae</i>	<i>Byssovorax</i>	<i>Byssovorax sp.</i>	0.03		
<i>Gammaproteobacteria</i>	<i>Chromatiales</i>	<i>Chromatiaceae</i>	<i>Nitrosococcus</i>	<i>Nitrosococcus sp.</i>	5.45		
No hit						7.18	

3

4